

2014年9月16日 (火)

CBRCセミナー

産業化に向けたNGS解析

CBRCは本年度よりゲノム情報研究センターとして出発致しました。そこで、新センター第1回目のCBRCセミナーを、次世代シーケンサー（NGS）解析をテーマに開催致します。NGS解析に必要なWet/Dryの連携を加速すべく、本会ではWet/Dry双方の研究者をお招きし、最新の研究結果についてご講演頂きます。NGS解析研究の最先端を知ることができる機会となります。皆様のご参加を心よりお待ちしております。

会場：産総研 臨海副都心センター 別館 8階
参加費：無料（要事前登録・当日参加可）
共催：産総研 ゲノム情報研究センター／
同 HPCI人材養成プログラム

時間	演題・講演者
14:00-14:30	メタゲノム情報からの未培養細菌ゲノムの再構成と機能予測 関口 勇地／産総研 バイオメディカル研究部門 バイオメジャー研究グループ
14:30-15:00	NGSを用いた異質倍数体植物の遺伝子発現解析と広域環境適応能の理解 赤間 悟／東京工業大学 地球生命研究所・産総研 ゲノム情報研究センター
15:00-15:30	RNAseqによるトンボの体色形成の分子基盤の解析 二橋 亮／産総研 生物プロセス研究部門 生物共生進化機構研究グループ
15:30-16:00	Coffee Break
16:00-16:30	複数の NGS 出力を用いたハイブリッドアセンブリ 池上 努／産総研 情報技術研究部門 インフラウェア研究グループ
16:30-17:00	エピゲノム情報解析の技術開発と応用 齋藤 裕／産総研 ゲノム情報研究センター ゲノム配列情報チーム
17:00-17:30	Comparing and aligning huge bio-sequence datasets Martin Frith／産総研 ゲノム情報研究センター ゲノム配列情報チーム
17:30-17:50	総合討論