

平成21年度 ライフサイエンス分野融合会議 参加報告

「平成 21 年度ライフサイエンス分野融合会議・ライフサイエンス部会バイオテクノロジー分科会合同研究発表会」が2月4日～2月5日にかけて産業技術総合研究所つくばセンター共用講堂で開催され、CBRCは18件のポスター発表を行いました。

BioHackathon 2010

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構ライフサイエンス統合データベースセンター (DBCLS) では、文部科学省委託研究開発事業「統合データベースプロジェクト」において国内の分散した生命科学関連のリソースを整備・統合するために、様々な試みを行っています。この一環として、国内外の生命科学データやサービスの統合化のために国際開発会議「DBCLS バイオハッカソン(BioHackathon) 2010」(主催 :DBCLS、共催 :CBRC) が開催され、2月8日(月)には、CBRCにて生命科学におけるデータ統合化の取り組み、特にセマンティックウェブ技術の利用と応用について紹介するシンポジウムが行われました。

バイオ情報学研究会で論文賞を受賞

(社) 情報処理学会のバイオ情報学研究会では、IPSI Transactions on Bioinformatics に掲載された論文の中から各年ごとに優秀な論文を原則として1件選び、SIGBIO Best Paper Award を授与しています。この度、2008-2009年度の論文賞として、RNA 情報工学チーム 技術研修員の浜田道昭(本務はみずほ情報総研株式会社コンサルティンググループサイエンスソリューション部)が筆頭著者である以下の論文が選ばれました。
Michiaki Hamada, Toutai Mituyama and Kiyoshi Asai, "Large Scale Similarity Search for Locally Stable Secondary Structures among RNA Sequences", *IPSI Transactions on Bioinformatics*, **2**, pp. 36-46,(2009).

人事異動

- 【退職】 3/31 付
 - ・佐藤 大介 (分子機能計算チーム産総研特別研究員)
 - ・Song Yixuan (細胞機能設計チームテクニカルスタッフ)
 - ・幡野 晶子 (細胞機能設計チームテクニカルスタッフ)
 - ・Harry Amri Moesa (細胞機能設計チームテクニカルスタッフ)
- 【新規採用】 4/1 付
 - ・藤 博幸 (副研究センター長 生体分子システム研究班班長)
 - ・加藤 和貴 (RNA 情報工学チーム招聘研究員)
 - ・市原 寿子 (生体分子システム研究班産総研特別研究員)
 - ・崎山 則征 (配列解析チーム産総研特別研究員)
- 【所内異動】 4/1 付
 - ・野口保 (副研究センター長→主幹研究員)
 - ・津田宏治 (RNA 情報工学チーム主任研究員→機械学習研究班班長 主任研究員)
 - ・富井健太郎 (企画本部 研究分野総括チーム 企画主幹 (併任) 配列解析チーム主任研究員 →配列解析チーム主任研究員)

成果紹介

最近の成果から抜粋しています。

- 【論文】
 - Hamada, M., Sato, K., Kiryu, H., Mituyama, T., Asai, K.: "Predictions of RNA secondary structure by combining homologous sequence information.", *Bioinformatics*, **25**(12) pp.i330-8 (2009).
 - Saito, K., Inagaki, S., Mituyama, T., Kawamura, Y., Ono, Y., Sakota, E., Kotani, H., Asai, K., Siomi, H., Siomi, M.C.: "A regulatory circuit for piwi by the large Maf gene traffic jam in Drosophila.", *Nature*, **461**(7268) pp.1296-9 (2009).

- 【所内異動】
 - ・富永大介 (生体ネットワークチーム研究員→細胞機能設計チーム研究員)
 - ・長野希美 (細胞機能設計チーム主任研究員→生体分子システム研究班主任研究員)
 - ・油谷幸代 (配列解析チーム研究員→細胞機能設計チーム研究員)
 - ・森岡涼子 (生体ネットワークチーム産総研特別研究員→機械学習研究班産総研特別研究員)
 - ・横田恭宣 (分子機能計算チーム産総研特別研究員→センター付産総研特別研究員)
 - ・廣瀬修一 (分子機能計算チーム産総研特別研究員→センター付産総研特別研究員)
 - ・坂井寛子 (創薬分子設計チームテクニカルスタッフ→センター付テクニカルスタッフ)
 - ・寺田朋子 (創薬分子設計チームテクニカルスタッフ→センター付テクニカルスタッフ)
 - ・杉原稔 (細胞機能設計チームテクニカルスタッフ→センター付テクニカルスタッフ)
 - ・中条裕子 (細胞機能設計チームテクニカルスタッフ →生体分子システム研究班テクニカルスタッフ)
 - ・大澤文 (細胞機能設計チームテクニカルスタッフ →生体分子システム研究班テクニカルスタッフ)
 - ・今井賢一郎 (配列解析チーム産総研特別研究員→配列解析チーム学振特別研究員)

研究員紹介

- 1 趣味や自己紹介など
- 2 研究内容や抱負

加藤 和貴 Kazutaka KATOH

RNA情報工学チーム
招聘研究員



- 1 生物系研究者がどんなツールを必要としているか理解するために生物学的興味をもって配列解析を行うことを心がけています。
- 2 多重配列アラインメントツールの開発が主な仕事です。速度や正確さの追求に加えて、多くの研究者にツールを使ってもらうことをめざしています。

市原 寿子 Hisako ICHIHARA

生体分子システム研究班
産総研特別研究員



- 1 美味しい物を食してその味を再現する事が好きです。12年ぶりの関東なのでお勤めの店を教えてくださいと嬉しいです。
- 2 主な研究テーマは、タンパク質の進化的情報に基づくタンパク質間相互作用推定です。また、共同研究でmiRNAの標的分子に関する解析も行っています。

崎山 則征 Noriyuki SAKIYAMA

配列解析チーム
産総研特別研究員



- 1 出身地である和歌山県は梅干しで有名ですが、私は梅干しが嫌いです。ですが、大好きな方が居ましたら買ってきます。
- 2 ミトコンドリアに局在するタンパク質を中心にアミノ酸配列解析を行っています。共同研究先のスウェーデンとの国際交流も楽しみたいと思います。